

4Kディスプレイで 1000人のVCFデータを 同時に比較

横3,840ピクセル、縦2,160ピクセルの高解像度
(フルハイビジョン4台分)ディスプレイを用いるこ
とによって、一度に最大1,000人の変異を閲覧・
比較できるようになりました。



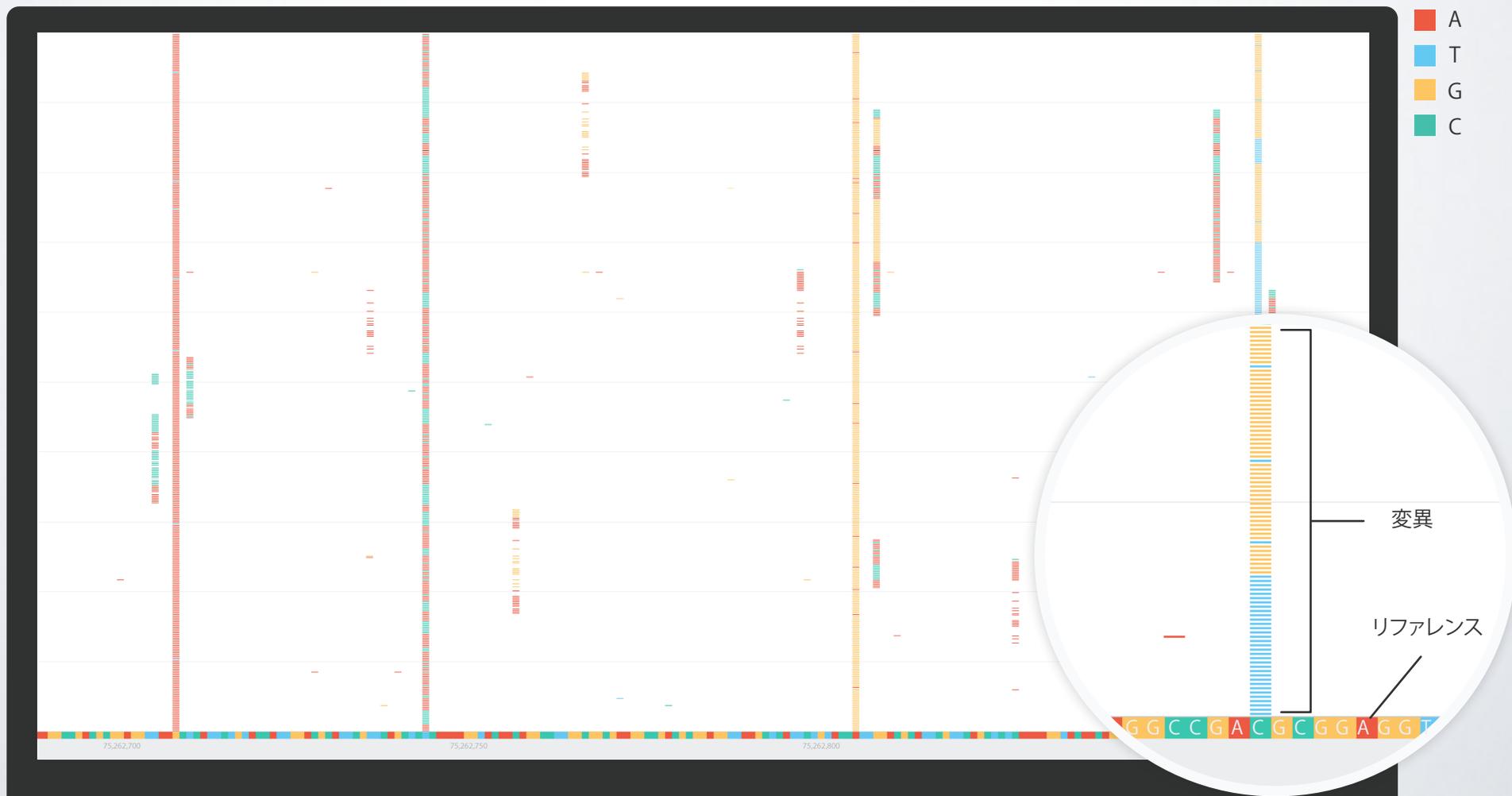
研究室用 変異解析向け ゲノムビューワー

Ultra Resolution Variant Viewer

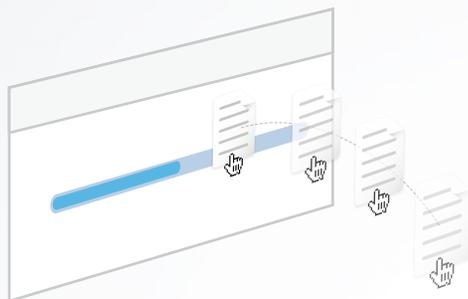
特徴① 高解像度の4Kディスプレイによる可視化

横3,840ピクセル、縦2,160ピクセルの高解像度(フルハイビジョン4台分)ディスプレイを用いることによって、一度に最大1,000人の変異を閲覧・比較できるようになりました。

1,000人の変異の表示イメージ



特徴② 誰でも使えるインターフェイス

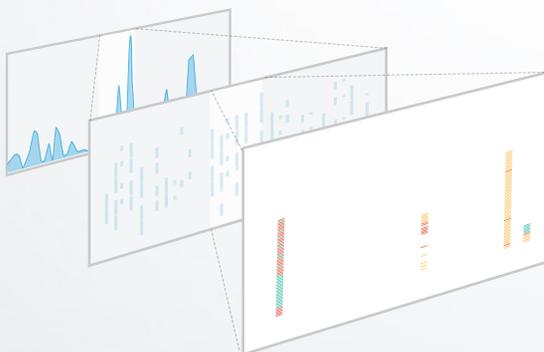
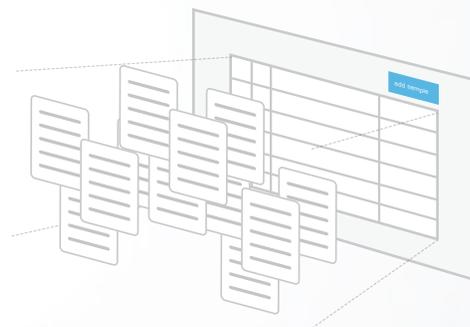


ドラッグ&ドロップで サンプルをかんたんインポート

ブラウザ上ですべての操作が可能になっています。データの読み込みは、ドラッグ&ドロップで行えます。直観的に操作できますので、解析が専門ではない方でも、簡単に利用することができます。VCF・SAM・BAMなどのフォーマットをサポートしています。

多数のサンプルも簡単整理

多数のサンプルの管理は研究者の悩みの種です。「Ultra Resolution Variant Viewer」を使えば、多数のサンプルを簡単に管理することができます。ファイル名・タグ・サンプルの作成日で検索し、目的のサンプルをすぐに見つけることが可能です。



マウス操作でシームレスズーム

「Ultra Resolution Variant Viewer」は、マウス操作のみで簡単に利用することができます。染色体の全体像から、塩基対レベルの詳細像・変異まで、シームレスにズームし確認することができます。

特徴③ マニュアルを見なくても使える便利な機能



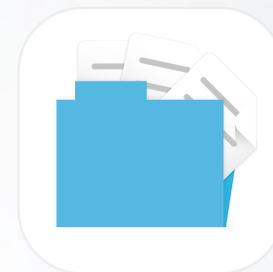
検索機能

遺伝子名・染色体・塩基座標などで検索し、瞬時に目的の領域を表示することができます。



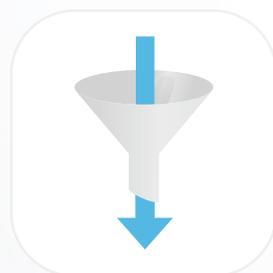
ブックマーク機能

閲覧している染色体・塩基座標・ズームレベルをブックマークとして保存しておくことができます。ブックマークを読み込むことで、瞬時に保存した状態を復元することができます。



レイアウト機能

表示したい変異・ショートリードのデータセットをレイアウトとして保存しておくことができます。レイアウトをロードすることで、瞬時に保存したデータセットを復元することができます。



フィルタリング機能

dbSNP・遺伝子領域・エクソン領域に基づいて、表示データを絞り込むことができます。



エクスポート機能

表示している結果をVCF形式・CSV形式で保存することができます。

特徴④ セットアップしたサーバーと4Kディスプレイを納品

必要なソフトウェアをインストール・セットアップ済で納品いたします
納品場所にて初期設定作業を行いますので、即日利用可能です



仕様

製品名	Ultra Resolution Variant Viewer
価格	オープン価格（ご要望に応じて柔軟に対応いたしますので、ご相談ください）
同梱品	4Kディスプレイ・サーバー用PC
サポートする リファレンスゲノム	GRCh37.p13 (hg19)・GRCh38
サポートする ファイルフォーマット	VCF・SAM・BAM・WIG・BED
用途	研究・研究室公開時などのデモンストレーション・アウトリーチ活動・教育

本製品のご購入・ご相談はメールにてsupport@xcoo.jpまでお問い合わせください。
受発注品のため納品までお時間をいただいております。予めご了承ください。

Xcoo 【ténku:】

株式会社テンクーは2011年設立のテクノロジーをベースとしたスタートアップカンパニーです。
多量のデータの分析とデータの可視化を専門としており、次世代シーケンサーのデータを始め、
ゲノムに関連する情報の解析、可視化サービスを展開しています。

<https://xcoo.co.jp/>